

四川师范大学推免生申请加分科研成果认定表

学号	2023 141	姓名	赵芳	性别	女
政治面貌	中共预备党员	出生日期	2004. 10. 26	民族	汉族
所在教学单位	生命科学学院	专业	生物科学		
联系电话		E-mail			
申请鉴定的科研成果	成果名称: 《Comparative analyses of olfactory receptor repertoires in <i>Schizothorax</i> fish based on the chromosome-level genomes: implications for regulatory roles of dietary differentiation and ploidy variation》 类型: 研究论文 出版刊物: 《Comparative Biochemistry and Physiology - Part D: Genomics &				
申请鉴定的科研成果简介	本成果为发表于《Comparative Biochemistry and Physiology- Part D: Genomics and Proteomics》(SCI 三区)的研究论文, 聚焦青藏高原特有的裂腹鱼属鱼类嗅觉受体 (OR) 基因的适应性进化, 探究食性分化与倍性变异对嗅觉受体基因家族演化的调控机制。 研究选取 3 种代表性裂腹鱼: 二倍体植食性 <i>S. macropogon</i> 、二倍体肉食性 <i>S. lantsangensis</i> 、四倍体植食性 <i>S. curvilabiatus</i> 。基于 NCBI 已公开的染色体水平参考基因组, 利用 TBLASTN				
其他科研成果	《Arsenic-Induced Modulation of Virulence and Drug Resistance in <i>Pseudomonas aeruginosa</i> 》(SCI-一区收录) 《Comparative analyses of olfactory receptor repertoires reveal evolutionary dynamics and adaptation of freshwater and seawater gobies based on the chromosome-level genomes》(SCI 二区收录)				
指导老师签字	本人确认该成果主要是由第一作者学生完成。 签字: 周闯 2026 年 9 月 2 日				
专家鉴定意见	情况属实				
专家组鉴定结论	鉴定通过 (☒) 鉴定不通过 (☐)				
专家审核小组签字	组长: 陈明	成员: 陈劲松 李伟 王勇 冯小军			
加分情况	根据当年推免工作通知, 通过公开答辩, 经专家审核小组鉴定通过, 加 3 分				
备注: 1. 专家组成员应具有相关学科副教授以上职称, 不少于 5 人; 2. 采用公开答辩方式, 对申请推免资格学生的科研成果 (学术论文、专利) 进行审核鉴定, 排除抄袭、造假、冒名及有名无实等情况; 3. 对学生提交的多篇科研成果实行代表作评价, 评价重点聚焦到创新质量和个人贡献。					

申请人签字: 赵芳

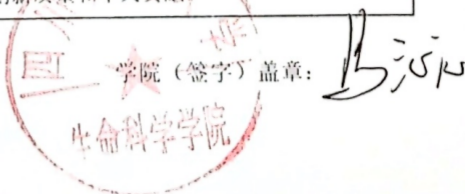
填表日期: 2026. 9. 2

学院 (签字) 盖章:

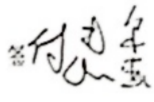
四川师范大学推免生申请加分科研成果认定表

学号	2023 142	姓名	赵华艳	性别	女
政治面貌	中共预备党员	出生日期	2004.4.19	民族	蒙古族
所在教学单位	四川师范大学	专业	生物科学		
联系电话			E-mail		
申请鉴定的科研成果	(包含成果名称、类型、出版刊物、收录、级别等基本信息) 成果名称: Comparative analyses of olfactory receptor repertoires reveal evolutionary dynamics and adaptation of freshwater and seawater gobies based on the chromosome-level genomes 类型: 研究论文 出版刊物: Journal of Heredity 收录: SCI收录 级别: 二区论文				
申请鉴定的科研成果简介	本研究基于染色体水平基因组,对3种淡水虾虎鱼与4种海水虾虎鱼(鲈形目:虾虎鱼科)的嗅觉受体(OR)基因开展系统鉴定与分析。虾虎鱼嗅觉受体基因组成分分析显示出显著的生境分化特征:海水虾虎鱼嗅觉受体基因平均数量为115.50个,高于淡水虾虎鱼的89.67个。该分布模式表明,为适应海水环境更为复杂的化学信号体系,嗅觉受体基因家族发生了适应性扩张。嗅觉受体基因的保守基序序列分析证实,不同虾虎鱼的保守基序序列组成相近,说明嗅觉受体基因序列在适应性进化过程中保持进化保守性。对 ζ 、 η 、 δ 、 ϵ 嗅觉受体基因家族的系统发育分析发现,虾虎鱼基因家族存在明显的生境特异性分布: ϵ 家族仅在海水虾虎鱼中存在,淡水虾虎鱼完全缺失;而 η 家族在海水、淡水虾虎鱼中均占据优势占比。嗅觉受体亚家族比较分析表明,淡水与海水虾虎鱼共有89个嗅觉受体亚家族;其中38个亚家族为淡水虾虎鱼特有,67个亚家族为4种海水虾虎鱼特有。染色体水平基因组分析表明,嗅觉受体基因并非在基因组上随机排布,而是聚集成基因簇。本研究揭示的虾虎鱼与生境分化相关的嗅觉受体基因家族变化,为解析鱼类嗅觉适应性提供了新见解。				
其他科研成果	(仅限本科期间公开发表的学术论文、专利) Comparative analyses of olfactory receptor repertoires in schizothorax fish based on the chromosome-level genomes: implications for regulatory roles of dietary differentiation and ploidy variation (SCI三区录用)				
指导老师签字	本人确认该成果主要是由第一作者学生完成。 签字: 周闯 2026年9月2日				
专家鉴定意见	情况属实				
专家组鉴定结论	鉴定通过(☒) 鉴定不通过(☐)				
专家审核小组签字	组长: 陈劲松 成员: 李维 王勇 池小峰				
加分情况	根据当年推免工作通知,通过公开答辩,经专家审核小组鉴定通过,加4分。				
备注: 1. 专家组成员应具有相关学科副教授以上职称,不少于5人; 2. 采用公开答辩方式,对申请推免资格学生的科研成果(学术论文、专利)进行审核鉴定,排除抄袭、造假、冒名及有失实等情况; 3. 对学生提交的多篇科研成果实行代表作评价,评价重点聚焦到创新质量和个人贡献。					

申请人签字: 赵华艳 填表日期: 2026.9.2



四川师范大学推免生申请加分科研成果认定表

学号	202 614	姓名	黄颖	性别	女
政治面貌	共青团员	出生日期	2004年10月10日	民族	汉
所在教学单位	生命科学学院	专业	生物科学		
联系电话		E-mail			
申请鉴定的科研成果	(包含成果名称、类型、出版刊物、收录、级别等基本信息) (1)成果名称: Insights into phylogenetic relationships of <i>Veronica</i> species (Plantaginaceae) based on comparative chloroplast genomics (2)类型: 学术论文 (3)出版刊物: Frontiers in Plant Science (4)收录信息: <i>Front. Plant Sci.</i> 17:1885890; doi:10.3389/fpls.2026.1885890. (5)级别: 1F2026=5.9, 中科院二区SCI, JCR SCIE Q1, JIF前12%				
申请鉴定的科研成果简介	本研究对长果婆婆纳 (<i>Veronica ciliata</i> Fisch.)、两裂婆婆纳 (<i>Veronica biloba</i> L.)、唐古拉婆婆纳 (<i>Veronica vandellioides</i> Maxim.) 3种婆婆纳属植物进行叶绿体基因组测序、组装与注释, 结合公开数据开展比较叶绿体基因组、系统发育、祖先性状重建与分化时间估算研究。 结果显示, 3个叶绿体基因组均呈现被子植物典型四分体结构; 两裂婆婆纳基因组全长150202 bp, 长果婆婆纳151159 bp, 唐古拉婆婆纳151098 bp。每个基因组包含130-132个独特基因, 其中86-87个蛋白编码基因、36-37个tRNA基因、8个rRNA基因。对24个婆婆纳属叶绿体基因组开展比较分析发现: 反向重复区-单拷贝区 (IR/SC) 边界整体较为保守, 但在 <i>rps19</i>、<i>ndhF</i>、<i>ycf1</i> 基因附近出现小幅边界偏移; 检测到正向、回文、互补与反向4种长重复序列; 简单序列重复 (SSR) 以 A/T 单核苷酸重复为主要类型。核苷酸多样性分析筛选出 <i>rp132-trnL</i>、<i>trnK-rps16</i>、<i>rp132</i>、<i>ycf1</i>、<i>ndhF</i>、<i>accD</i>、<i>matK</i>、<i>rpoB</i> 为高变异区段。系统发育分析表明, 婆婆纳属构成支持度很高的单系支, 同时厘清3个新测序物种的质体系统位置。分化时间估算显示, 婆婆纳属的冠群分化时间约为14.9百万年前; 两裂婆婆纳、长果婆婆纳、唐古拉婆婆纳的分化时间分别约为3.9百万年前、0.6百万年前、6.9百万年前。 本研究为婆婆纳属的分类学、物种鉴定以及后续演化研究提供了叶绿体基因组资				
其他科研成果	(仅限本科期间公开发表的学术论文、专利) (1)成果名称: Characterization of the complete chloroplast genome of <i>Thalictrum atriplex</i> (Ranunculaceae) Characterization of the complete chloroplast genome of <i>Thalictrum atriplex</i> (Ranunculaceae) (2)成果类型: 学术论文 (3)出版刊物: Mitochondrial DNA Part B: Resources				
指导老师签字	本人确认该成果主要是由第一作者学生完成。  2026年 9月 3				
专家鉴定意见	情况属实 				
专家组鉴定结论	鉴定通过 (✓) 鉴定不通过 ()				

专家审核小组签字	组长: 陈明	成员: 沈小勇 陈劲松 李伟 冯勇
加分情况	根据当年推免工作通知, 通过公开答辩, 经专家审核小组鉴定通过, 加 4 分	
备注: 1. 专家组成员应具有相关学科副教授以上职称, 不少于5人; 2. 采用公开答辩方式, 对申请推免资格学生的科研成果(学术论文、专利)进行审核鉴定, 排除抄袭、造假、冒名及有名无实等情况; 3. 对学生提交的多篇科研成果实行代表作评价, 评价重点聚焦到创新质量和个人贡献。		

申请人签字 黄颖

填表日期: 2026年9月3日

学院(签字)盖章: 生命科学学院